

INTRODUCTION AUX OUTILS DE LA PROTEOMIQUE

19 novembre au 23 Novembre 2012

Lieu : Inserm DR Paris 5, 2 rue d'Alésia, 75 014 Paris

19 novembre	
10h 00 - 12 h 30	Introduction générale Luc CAMOIN
Fragmentation des protéomes	
13 h 45 - 15 h 30	Electrophorèse 1D-2D Thierry RABILLOUD
Identification des protéines	
15 h 45 -17 h 45	MS-MALDI-TOF ; TOF-TOF, Q-TOF et Q3 Gérard BOLBACH
20 novembre	
Identification des protéines (suite)	
9 h 30 - 11 h 00	MS-FTICR Julia CHAMOT-ROOKE
11 h 15 - 12 h 45	Mobilité ionique Laëtitia CRAVELLO
13 h 45 - 15 h 15	Trappe ionique MS-IT et ORBITRAP Stéphane AUDEBERT
Fragmentation des protéomes	
15 h 30 - 16 h 30	Purification de complexes protéiques Avais DAULAT
16 h 30 - 17 h 30	Pré-fractionnement pour l'identification des protéomes complexes Luc CAMOIN
21 Novembre	
Quantification et Profiling	
9 h 00 - 10 h 00	Marquage isotopique Luc CAMOIN
Fragmentation des protéomes (suite)	
10 h 15 - 12 h 00	Phosphoproteome Franck VANDERMOERE
Quantification et Profiling (suite)	
13 h 30 - 14 h 30	Protéomique Quantitative ciblée SRM Jérôme LEMOINE
Fragmentation des protéomes (suite)	
14 h 45 – 15 h 45	Chromatographie bidimensionnelle des protéines Frédéric PONT
Quantification et Profiling (suite)	
16 h 00 – 17 h 30	Imagerie par MS Daniel LAFITTE

22 Novembre	
Quantification et Profiling (suite)	
9 h 00 - 10 h 30	Protéomique clinique Christophe FLAHAUT
10 h 45 - 12 h 15	« Label-free » : un tour d'horizon Christophe MASSELON
Data Mining	
13h 30 - 14h 30	GeneOntology, David, Ingenuity... Nicolas CAGNARD
14 h 30 – 15 h 45	Amen Frédéric Chalmel
Travaux dirigés, Exemples, Table Ronde, ...	
16 h 00 - 17 h 00	Visite virtuelle d'une plate-forme protéomique Analyse des spectres de masse Luc CAMOIN
23 Novembre	
Travaux dirigés	
9 h 30 - 12 h 30	Identification des protéines Luc CAMOIN
12 h 30-13 h 00	Evaluation de la formation