

## Journée en Spectrométrie de Masse

**Lieu :** Cité Internationale Universitaire – (Espace Adenauer) - 17 bd Jourdan - Paris 14<sup>ème</sup>

**Date :** mardi 14 octobre 2014

**Inscription obligatoire :** avant le 25 septembre 2014 sur notre site [www.waters.com](http://www.waters.com)

**Renseignements :** Florence Fontaines, tél : 01 30 48 72 67 / [florence\\_fontaines@waters.com](mailto:florence_fontaines@waters.com)

### Programme

#### MATIN

- 8:45 *Accueil*
- 9:00 **Session Plénière**
- 9:15 Présentation de la Journée MS
- 9:30 Les dernières avancées en spectrométrie de masse au service d'un défi analytique : la caractérisation structurale des polysaccharides – *Hélène Rogniaux, INRA, Nantes*
- 10:15 Présentation des nouveautés de l'année
- 11:00 *Pause*
- 11:30 Comment augmenter les performances MS avec la chromatographie : découverte d'IonKey™ – *José A. Portela, Waters*
- 11:50 Optimisation des conditions expérimentales du couplage HILIC-"Ion Mobility MS" pour la séparation des saxitoxines– *Salomé Poyer, UMR CNRS 6014 COBRA, Université de Rouen*
- 12:20 *Déjeuner*

#### SESSIONS PARALLELES

##### Session Biomarqueurs et Biologie structurale

- 14:00 Introduction : les nouveaux défis pour l'identification et la validation des biomarqueurs - *David Lascoux, Waters*
- 14:45 Utilisation de la mobilité pour l'identification de marqueurs lipidiques – *Véronique Ferchaud-Roucher, IRT, Nantes*
- 15:15 Protéomique globale des bactéries intracellulaires Rickettsia - *Nicholas Armstrong, URMITE, Faculté de Médecine, Marseille*
- 15:45 Utilisation des échanges proton/deutérium pour l'identification d'épitopes – *Sébastien Brier, Institut Pasteur de Paris*
- 16:15 Nouveautés pour l'identification et l'étude statistiques des biomarqueurs : Progenesis Q1 & Q1-P– *Agnès Corbin - Non Linear Dynamic (division Waters)*
- 16:45 Questions ouvertes et Conclusion
- 17:15 *Fin de la journée MS*

### Session Chimie

- 14:00 Déformulation de produits chimiques : la spectrométrie de masse au coeur de l'investigation analytique - *Olivier Falletti - Arkema, Pierre Bénite*
- 14:30 La MS Haute résolution avec l'ASAP : un outil utile dans l'optique ophtalmique – *Valérie Nogueira et Pierre-Jean Calba, Essilor, R&D, Créteil*
- 15:00 Méthodologie dans le cadre du développement analytique en SFC MS – *Isabelle Fabing, Université Paul Sabatier, SPCMIB - Toulouse*
- 15:30 Couplage ASAP-"Ion Mobility MS" un outil puissant pour la caractérisation structurale de mélanges industriels complexes - *Caroline Barrère - UMR CNRS 6014 COBRA, Université de Rouen*
- 16:00 Utilisation de l'UPC<sup>2</sup> en détection de masse pour le suivi réactionnel : retour d'expérience de l'ICOA : retour d'expérience de l'ICOA, Orléans - *Stéphane Dubant, Waters*
- 17:00 Questions ouvertes et Conclusion
- 17:15 *Fin de la journée MS*

### Session Environnement & Agroalimentaire

- 14:00 Introduction – *José A. Portela, Waters*
- 14:15 ACQUITY® QDa®: A new screening solution for Food Quality and Safety - *Eimear Mc Call, Waters*
- 14:45 Nouvelles plateformes pour le screening ciblé et non ciblé en environnement et sécurité alimentaire: Xevo® TQ-S Micro, UNIFI®/Xevo G2-XS Q-ToF™ et SYNAPT® G2-Si HDMS – *Jean-Marc Joumier et José A. Portela, Waters*
- 15:30 Dosage de traces en milieu complexe par spectrométrie de masse en tandem – *Yoann Deceuninck, Laberca, Nantes*
- 16:00 Méthodologie pour l'identification de composés organiques dans les échantillons environnementaux par UPLC®/Q-ToF : du monitoring ciblé au screening – *Coralie Soulier et Anne Togola, BRGM, Direction des Laboratoires, Orléans*
- 16:30 Apport de la spectrométrie de masse avec mobilité ionique au travers de quelques applications en chimie environnementale – *Sylvain Ravier, Laboratoire de Chimie de l'Environnement, Aix-Marseille Université*
- 17:00 Questions ouvertes et Conclusion
- 17:15 *Fin de la journée MS*

### Session Biologie clinique & Diagnostic

- 14:00 Production de métabolites de xénobiotiques par des microsomes d'hépatocytes humains ou comment améliorer le screening urinaire - *Luc Humbert et Camille Richeval, Centre de Biologie Pathologie de Lille, Laboratoire de Toxicologie & Génopathies*
- 14:45 Séparations de médicaments par UPLC couplée au détecteur de masse ACQUITY QDa - *Guillaume Deslandes, CHU de Nantes, Laboratoire de Pharmacologie/Toxicologie, Nantes*
- 15:15 [Titre en attente] - *Eliane M. Billaud, Hôpital Européen Georges Pompidou, Pharmacologie, Paris*
- 16:00 Avantages comparés de la préparation d'échantillon sur plaque Oasis HLB  $\mu$ Elution pour le dosage plasmatique de la Colistine par LC/MS/MS – *Maureen Lopez et Julien Fonsart, Hôpital Saint Louis, Biochimie, Paris*
- 16:30 Questions ouvertes et Conclusion
- 17:15 *Fin de la journée MS*